

Conceptual Translation of Human TMEM144

gtagaggggaatgagtcaggctccggctccacactggcacgtagtgggcggatcgcgcc	58	
ggcgctgagtaggaaggagcttcagccgcagcccggaacgcacatcataggttagcttttc	118	Exon 1 Exon 2
aagacacttctctgcatctctgacctggttgacactctgttatcttggcacctctgttatct	178	
tagcagcaagcacctgcctcagctgacccttgagccataaccataagctcctgaaaagt	238	Exon 2 Exon 3
acatcaagtctaaagtgaaccagctaactcattaagactggaatcatgagcaacaatgga	298	Upstream in-frame stop
M S N N G	5	
gcagacctaacctttggttacatctcctgttttgtagctatccttttgttggctcaaat	358	
A D L T F [G Y I S C F V A I L L F G S N	25	TM 1 [Int Repeat 1a]
tttgtgccacttaaaaaatttgatactgggtgatggaatgtttctccagtggttctttgt	418	Exon 3 Exon 4
F V P] L K K F D T G D G M F L Q W V L C	45	TM 2
gctgccatatggttggttgcccttggttgcaatctgatattacattgtccaaagttttgg	478	
A A I W L V A L V V N L I L H C [P K F W	65	TM 3 [Int Repeat 2a]
ccttttgcaatgcttgggggctgcatttgggcaacagggaacattgctgttgcccaatt	538	Exon 4 Exon 5
P F A M L G G] C I W A T G N I A V V P I	85	
atcaaaaccattggtttaggccttggaatcttaatctggggatcatttaatgccttaact	598	
I K T I G L G L G I L I W G S F N A L T	105	TM 4
ggctgggcaagctcaagggttggctggtttggattggatgcagaagaagtatcaaatccg	658	Exon 5 Exon 6
G W A S S R F G W F G L D A E E V S N P	125	TM 5
ctgctaaattacattggagctgggctatcagtagtaagtgtctttcatattttgttcac	718	Exon 6 Exon 7
L L N Y I G A G L S V V S A F I F L F I	145	
aaaagtgaaataccaaataacacgtgttccatggataccactccattaataacagagcat	778	Exon 7
K S E I P N N T C S M D T T P L I T E H	165	
gtgatcaacacaaccaagaccctgttctctgggtggataaactttctacagtacaccac	838	Exon 8
[V I N T T Q D P C S W V D K L S T V H H	185	[Excluded in isoform 2]
cgcatagtgggctgcagctcttgagtgatctctggagtactctatggatctacatttgtg	898	Exon 8 Exon 9
R I V [G C S L A V I S G V L Y G S T F V	205	TM 6 [Int Repeat 1]
ccaatcatctacatcaaggaccacagcaaaagaaatgatagtatatatgcaggggcaagc	958	
P] I I Y I K D H S K R N D S I Y A G A S	225	
caatatgatttagactatgtgtttgagcacttcagtggaatctttcttacaagtactgtc	1018	Exon 9 Exon 10
Q Y D L D Y V F A H F S G I F L T S T V	245	TM 7

tacttttctggcctactgcatagccatgaaaaatagtcctaaactatatcctgaagcagtc 1078
Y F L A Y C I A M K **N S** [**P K L Y P E** **A V** 265 **TM 8** [Int Repeat 2b]

ctaccaggattcctgtcaggagtactttgggctatagctacctgctggttggttcatagca 1138 **Exon 10|Exon 11**
L P G] F L S **G V L W A I A T C C W F I** **A** 285

aatcactctctgagtgctgtgggtcagttttccaataatcactgctgggtccaggatttata 1198 **Exon 11|Exon 12**
N H S L S A **V V S F P I I T A G P G F I** 305 **TM 9**

gctgcaatgtggggatcttcatgtttaaggaaataaagggtctacaaaactacctatta 1258 **Exon 12|Exon 13**
A A M W G I F M F K E I K **G L Q N** **Y L L** 325 **TM 10**

atgatacttgcattttgcacatccttgactggagccttatgcactgctttttctaaaatc 1318
M I L A F C I I L T **G A L C T A F S** K I **J** 345

taacaatgacaaaaccagcaggtggcagcagtagttaagagaacgcgtctatcggacagc 1378
*

ggagagatcatgctgagaaaagagtgcattttcatatagcaaattggatctcagccactgt 1438
tggagtgggtaaattgattttttcccaaaaatgtgagaatgaaggaagattgagtttca 1498
ttcaagtataaaaatgaaaatttcttctgatgaactgtttatgaaggtagtactttactg 1558
ggtgactaaaatgtctacattattatagcattacatacagaggatgctctttttaccacag 1618
tatgtacctagtgttgcataatctagaacacagtatagagtccatatacaagaagttac 1678
agtcacatatttctcacctattaccccagtgagtgaggcagaaataccttgggcgaggag 1738
ggagagccttaccttctaattggaattagattccaagataatttggatcctttgtttcata 1798
aagtaaattgcatagttggtactaaatgttaaaaaggccattttattattgtagccaa 1858
acttctgtttattttcaagttaatatcgcccaactctacatcatctaccatttttagtca 1918
taatgcttttgattatcgccagataaagtcattctcagagaacaaaaatttttcatcat 1978
tgagaaaatgtgcataacataatacatacacaagtatattcacgtacataaaataca 2038
cacagatatggttgctaaagtgagattgtaggttatcagtaacaattttaaaggaaacaacc 2098
actcttttgaaatgtacaactttttttctgaaatacacttttctaaaaccctcttaactg 2158
gaggtttcctgttttcttctgttttaactgggtggtttccagtaggcaaaaataaaatgac 2218
aggcatgctagtttttttttttttttttttttaagaaaactgaaattaagccaggca 2278
gggtggcgcactactataatcccagctgctggggcggctgaagtaggaggggtcacttagc 2338
ccaagagtgcaaactctgccagcctaggcaacatagcaaggtcccattcttaaaaaagaaa 2398
tttaatttaaatttgtaagaaaaaagaaaactgaaacagaactgccagtacaatgtttgt 2458
tgcaattgtttccaaaactttgagataacgaaaccctattcaaattgtaaattttacca 2518
tcccacctgatagtagtactgtttattactttgctatgcaggagaaacaaaacagcttttta 2578
tttgtgtgtataactctgaagtcaatgtgcatgggttaaatcccacctctgcttcatttta 2638
tttgtgtggctttggacaagttcctaagccctctgtgtcaggccctcattaacaaaatg 2698
gagtttatgatggcatctacctcacatgggttattgtgtggttgaaattagttcaaactctg 2758
taaagtatgttgatgagtatctggtacttggaacactatataattgtagctttatta 2818
ttatgtgttgtttgaaggggaaaaaagttttttagattggagaacaccatgtaagagct 2878
actaagctcaccaccttcccatccaacaattattactcctctaaatgaataactacttaa 2938
aagtgatggagcttctgtttgtttattgaattgctaatacaataaaatatttgactataa 2998 **PolyA Sig**

cttcttataactcattttaattttaacctgaaatgtcattaattatgctgataaactttg 3058
aataaattgtgatacaaaaagctatTTTTctatttaaatataTTTTagaattttatattg 3118 PolyA Sig|Site|Sig|Site
gataactttaattattcttttagttgggatttccaatttatatgcaaaattttaaatgtg 3178 PolyA Site
aagtaaagcagtttcagaagaaaaatgaaaaa 3210 PolyA tail